



**ESTUDIO TRANSVERSAL DE EL VIRUS INFLUENZA SUBTIPO H1N1 Y H3N2
EN GRANJAS PORCINAS DEL ESTADO DE YUCATAN, MEXICO.**

Alvarez, F.M.¹, Rodríguez, B.J.¹, Ayora, TG², Villegas, P.S¹.

1 Facultad de Medicina Veterinaria y Zootecnia de la UADY Km 15.5 carretera Mérida-Xmatkuil Apdo Postal 116 Itzimna, Mérida Yucatán mj_alvarez@hotmail.com

2 Centro de Investigación Regional Dr. "Hideyo Noguchi" de la facultad de Medicina de la UADY Ave. Itzaes No. 490 x 59 C.P. 97000, Mérida Yucatán

El virus de influenza tipo A subtipos H1 N1y H2 N3 afecta a la población porcina asociándose al Complejo respiratorio porcino. El objetivo de este estudio fue detectar la presencia de cerdos seropositivos a los subtipos H1 n1 y H3 N2 de influenza y establecer el seroperfil en la línea de producción de granjas porcinas del estado de Yucatán Se realizo un estudio transversal en 25 granjas de flujo continuo. Se muestreo un total de 40 cerdos por granja en diferentes etapas: 10 Destetes 10 Crecimiento, 10 Desarrollo 10 Finalizados, considerando una prevalencia <8% y un nivel de confianza del 95%. Las muestras de sangre se obtuvieron por medio de la punción de la vena cava anterior. Las cepas virales de influenza A utilizados en las prueba fueron las cepas A/swine/England/163266/87 (H3N2) y A/Iowa/15/30 (H1N. La prueba que se utilizo fue la de inhibición de la hemaglutinación. Se consideraron muestras positivas, aquellas que presentaron un título igual o mayor a 1:80. Se trabajo un total de 1000 de sueros de cerdo, de los cuáles, 651 (65.1%) resultaron positivas al subtipo H3N2. y, únicamente 83 sueros (22.9%) fueron positivos al subtipo H1N1. Se observo diferencia significativa $p < 0.001$ entre las prevalencias de los subtipos . En el 56 % de las granjas estudiadas se observo al menos un animal seropositivo lo que indica una prevalencia \geq al 8%. dentro de granja. Con respecto a los porcentajes encontrados en destete, crecimiento, desarrollo y finalizado fueron :8.8%, 9.6%, 6.4% 8.4% y 62.4%, 56%, 67% y 74% para H1 N1 y H3 N2 respectivamente. Solo se encontró diferencia significativa $p < 0.0001$ entre los estratos con respecto al subtipo H3 N2. Se puede concluir que el virus de influenza subtipos H1N1 y H3 N2, se encuentra ampliamente distribuido en la población de engorda de las granjas estudiadas