



**EVIDENCIAS CLINICAS DEL PRRS_v Y SU RELACION CON EL COMPLEJO
RESPIRATORIO PORCINO. PARTE III.**

Lara, PJH.¹; Díaz, EEF.¹; Rodríguez, IS*¹.

¹ Boehringer Ingelheim Vetmedica, S. A. de C. V.; Calle 30 #2614, Zona Industrial, porcinos@gua.boehringer-ingelheim.com; Guadalajara, Jalisco; México.

La famosa pared de las 18 semanas, y parte del “Complejo Respiratorio Porcino”(CRP), tiene una gran importancia tanto por el costo económico que representa al productor como por el gran número de patógenos que se han identificado participan en el CRP: PRRS_v, *Mycoplasma hyopneumoniae*, el virus de influenza, *Actinobacillus pleuropneumoniae*, *Streptococcus suis*, virus de Aujeszky, circovirus tipo II, etc. La mayoría de los casos de CRP estudiados han sido positivos a PRRS_v casi siempre con presencia de lesiones típicas de otros agentes como *M. hyopneumoniae*. En todos ellos encontramos una constante simple “los cerdos son infectados por varios patógenos y la gravedad de la enfermedad es el resultado de una simple adición de los efectos de los patógenos presentes (1 + 1= 2) o tiene un efecto sinérgico (1 + 1= 4)”. Por lo que surge la necesidad de ver si esto ocurre también en México. Para ello utilizamos 5 granjas del altiplano mexicano de las que se realizaron aislamientos y caracterizaciones del PRRS_v, en las que evaluamos clínica y morfológicamente los cuadros patógenos que sufrían las granjas. Al evaluar la situación existente en cada granja tomamos en cuenta las manifestaciones clínicas, los valores S/P de la prueba de ELISA para PRRS y los aislamientos y con ello determinamos clínicamente las posibles interacciones que se pudieran estar dando con el virus de PRRS. Las granjas se encontraban afectadas por diferentes cuadros patológicos donde diferenciamos el agente prioritario resultando la granja A de la cual se aislaron 3 cepas del PRRS_v, el problema principal fue App. impactando al sitio 3; en la granja B, con 3 aislamientos del PRRS_v, el patógeno prioritario fue *Salmonella choleraesuis* afectando sitio 2-3; la granja C, con 1 aislamiento del PRRS_v, el patógeno involucrado fue App afectando a toda la línea de producción; la granja D, que tuvo 8 aislamientos del PRRS_v el causal clínico fue *Haemophilus parasuis* afectando la línea de producción; y la granja D donde solo hubo 1 aislamiento del PRRS_v teniendo como agente principal al *Mycoplasma hyopneumoniae* con impactos en la línea de producción. Con ello no solo evidenciamos las interacciones existentes entre PRRS y otros agentes, si no el poder planear una estrategia mas adecuada para controlar las enfermedades involucradas y llegar a estabilizar las granjas evaluadas.